

Ⓛ

DEMANDE DE BREVET EUROPEEN

Ⓢ Numéro de dépôt: 88401520.7

Ⓣ Date de dépôt: 17.06.88

Ⓢ Int. Cl.⁴: **C 12 N 5/00**

C 12 N 15/00, A 01 K 67/02,

C 12 P 21/02, A 61 K 37/64,

A 61 K 37/48

Ⓢ Priorité: 19.06.87 FR 8708623

Ⓢ Date de publication de la demande:
11.01.89 Bulletin 89/02

Ⓢ Etats contractants désignés:
AT BE CH DE ES FR GB GR IT LI LU NL SE

Ⓢ Demandeur: **TRANSGENE S.A.**
16, rue Henri Régnauld
F-92400 Courbevoie (FR)

Ⓢ Inventeur: **Skern, Tim**
15, rue de St Dié
F-67100 Strasbourg (FR)

Courtney, Michael
11 rue des Lilas
F-67170 Geudertheim (FR)

Lecocq, Jean-Pierre
6, rue du champ du Feu
F-67116 Reichstettl (FR)

Ⓢ Mandataire: **Warcoin, Jacques et al**
Cabinet Régimbeau 26, avenue Kléber
F-75116 Paris (FR)

Ⓢ Procédé de préparation de lignées cellulaires stables pour la production de protéines déterminées, à partir d'animaux transgéniques; lignées cellulaires tumorales et protéines obtenues.

Ⓢ L'invention concerne un procédé de préparation d'une lignée cellulaire stable pour la production d'une protéine déterminée, par l'induction de tumeurs dans des animaux transgéniques et la sélection des descendants ayant développé des tumeurs. Dans une variante, on introduit dans des animaux transgéniques la séquence codant pour la protéine, on sélectionne les descendants ayant intégré la séquence, et on fusionne les lymphocytes de la rate de ces animaux avec des cellules de myélomes. Dans les deux variantes, les lignées cellulaires dérivées des tumeurs produisent des protéines notamment d'intérêt thérapeutique.

EP 0 298 807 A1

Description

PROCEDE DE PREPARATION DE LIGNEES CELLULAIRES STABLES POUR LA PRODUCTION DE PROTEINES DETERMINEES, A PARTIR D'ANIMAUX TRANSGENIQUES ; LIGNEES CELLULAIRES TUMORALES ET PROTEINES OBTENUES.

5 L'invention concerne la mise au point de nouvelles lignées cellulaires pour la production de protéines complexes.

Depuis quelques années, un nombre de plus en plus important de protéines a été produit par les techniques de l'ADN recombinant (hormones, lymphokines ...) dans différents types de cellules hôtes, bactéries ou levures. Dans de nombreux cas, ces microorganismes apparaissent comme des moyens de production
10 efficaces et rentables parce que leur génétique et leur physiologie sont bien connues et les techniques de fermentation, à l'échelle industrielle, sont bien maîtrisées.

Cependant, pour des protéines complexes qui ne sont actives qu'après avoir subi des modifications post-traductionnelles, on a constaté que l'expression dans les bactéries et les levures ne permet pas toujours de telles modifications. Dans ces cas là, on n'obtient pas de protéines biologiquement actives. Par exemple,
15 on sait que des molécules d'importance thérapeutique comme les facteurs VIII et IX de la coagulation sanguine doivent être produites dans des cellules de mammifères, et peut être même dans des types cellulaires spécifiques.

De nombreuses études tentent donc de mettre au point des systèmes performants qui permettent l'expression de gènes étrangers clonés dans des cellules eucaryotes supérieures.

20 Les différents travaux réalisés se sont heurtés à un certain nombre de difficultés telles qu'un rendement pas toujours satisfaisant, un faible nombre de systèmes performants, l'instabilité des gènes étrangers transfectés, ou encore la nécessité, pour la production de protéines telles que le facteur IX qui doivent subir des modifications post-traductionnelles complexes, de choisir un type bien spécifique de cellules.

La présente invention vise à mettre au point de nouvelles approches expérimentales pour la production de protéines recombinantes complexes par les lignées cellulaires qui, au moins partiellement, ne présentent pas
25 les inconvénients mentionnés ci-dessus.

Pour atteindre son but, l'invention propose d'utiliser les techniques permettant la création d'animaux transgéniques.

Les techniques qui permettent la création de souris transgéniques sont bien décrites (voir revue de Palmiter et Brinster, 1986). En résumé, une préparation d'ADN comportant un gène étranger entouré des signaux de contrôle appropriés pour permettre son expression dans les cellules supérieures, est microinjectée in vitro dans le pronucléus d'un oeuf fertilisé.

Les oeufs injectés sont transplantés dans des femelles porteuses. Parmi les souriceaux qui parviennent à terme, le gène étranger ou "transgène" est intégré dans le matériel chromosomique à une fréquence de 10 à
35 15 %. Dans la majorité des cas, le gène est intégré dans les cellules germinales et devient ainsi transmissible aux générations suivantes de souriceaux.

Des techniques semblables ont également été décrites pour d'autres espèces animales (porc, mouton, vache).

On constate généralement que les souris transgéniques expriment le "transgène" spécifiquement dans
40 certains tissus qui reproduisent l'environnement naturel où le gène est exprimé, dans son hôte d'origine. Par exemple, les souris transgéniques porteuses du gène de l'élastase du rat synthétisent de l'élastase de rat dans leur pancréas (Swift et al. 1984) ; le gène de l' α -antitrypsine humaine est exprimé à un haut niveau dans le foie des souris (Sifers et al. 1987). Cette spécificité tissulaire est souvent déterminée par les séquences du promoteur (ou proches de celui-ci) du gène étranger. Ceci est démontré par l'étude de fusions entre des
45 gènes et des promoteurs hétérologues. Par exemple la fusion du gène CAT (chloramphénicol acétyltransférase) de bactérie avec le promoteur du gène de la protéine α A du cristallin de souris, entraîne la synthèse de CAT dans le cristallin des souris transgéniques et une régulation de son expression au cours du développement de la souris (Overbeek et al. 1985).

Il est donc possible de diriger l'expression des gènes vers certains tissus ou catégories de tissus, dans les
50 animaux transgéniques, en utilisant des séquences promoteur appropriées. Plusieurs travaux décrivent l'expression d'oncogènes cellulaires ou viraux dans les souris transgéniques, par exemple c-myc, c-ras, c-fos et l'antigène T du SV40 (Adams et al. 1985 ; Quaife et al. 1987 ; Rütner et al. 1987 ; Palmiter et al. 1987).

L'expression de ces oncogènes peut aboutir au développement de tumeurs dans les tissus qui l'expriment. Par exemple, des constructions d'ADN qui comportent l'oncogène c-myc et une séquence "enhancer"
55 proximale de la chaîne lourde des immunoglobulines (Ig) induisent, dans les souris transgéniques, des tumeurs lymphoïdes les lignées cellulaires B. dont la spécificité est due à l'effet du "enhancer" de l'Ig (Adams et al. 1985).

Ces expériences montrent donc qu'il est possible de provoquer l'apparition d'une tumeur dans un tissu ou dans un type de cellule choisi, en utilisant un oncogène approprié et un promoteur et/ou un "enhancer"
60 spécifique d'un tissu.

Les tumeurs induites artificiellement par ces constructions d'ADN peuvent être mises en culture in vitro et on peut en dériver des lignées cellulaires établies. Adams et al. (1986) ont décrit la sélection de lignées permanentes de cellules B à partir de tumeurs induites par l'expression constitutive de c-myc.

La présente invention vise à fournir un nouveau procédé permettant la préparation d'une protéine déterminée, ce procédé utilisant la technique de création d'animaux transgéniques.

Plus précisément, l'invention a pour objet un procédé de préparation d'une lignée cellulaire stable produisant une protéine déterminée, caractérisé en ce que :

a) - on prépare un vecteur comportant

- une séquence oncogène ainsi que les éléments assurant son expression dans une cellule eucaryote supérieure,

- un bloc d'expression qui comprend au moins la séquence codant pour ladite protéine ainsi que les éléments assurant son expression dans une cellule eucaryote supérieure tumorale ;

b) - on introduit ce vecteur dans un ou plusieurs oeufs d'un animal et on réimplante le ou les oeufs obtenus ;

c) - on sélectionne les descendants ayant intégré l'oncogène et qui développent des tumeurs ;

d) - on prélève et on cultive sur un milieu approprié les cellules tumorales ainsi obtenues et qui produisent la protéine déterminée afin d'obtenir une lignée cellulaire.

Sous un des aspects de l'invention, on peut, avant leur mise en culture, réimplanter les cellules tumorales plusieurs fois successivement dans d'autres animaux.

Dans une variante du procédé selon l'invention, on peut produire la protéine déterminée de la façon suivante :

a) - on prépare un vecteur comportant

- un bloc d'expression qui comprend au moins la séquence codant pour ladite protéine ainsi que les éléments assurant son expression dans une cellule eucaryote supérieure ;

b) - on introduit ce vecteur dans un ou plusieurs oeufs d'un animal et on réimplante le ou les oeufs obtenus ;

c) - on sélectionne les descendants ayant intégré la séquence codant pour ladite protéine ;

d) - on fusionne les lymphocytes de la rate de ces animaux avec des cellules de myelome et on sélectionne des clones d'hybridome produisant la protéine.

L'invention propose en particulier des moyens pour donner une spécificité tissulaire à l'expression de l'oncogène, de la protéine déterminée, ou des deux.

Il s'agit par exemple d'utiliser des signaux de contrôle puissants de l'expression dans les cellules lymphoïdes pour optimiser la production de protéines étrangères dans les transhybridomes.

L'induction spécifique de tumeurs dans les souris transgéniques peut être déclenchée par différents oncogènes et ceux-ci peuvent être placés sous le contrôle de différents promoteurs pour influencer la spécificité tissulaire de la réponse.

On appellera "oncogène" dans la présente description le gène ayant la capacité d'induire chez l'animal une prolifération cellulaire du type de celle qui conduit à la formation de tumeur.

Parmi les oncogènes utilisables, il faut citer plus particulièrement les oncogènes d'origine virale quelles que soient leurs origines. Ainsi, il faut citer les oncogènes tels que c-myc, c-ras, c-fos ou l'antigène T de SV40, mais d'autres oncogènes peuvent être envisagés tels que les oncogènes src, erb, myb et onc par exemple.

De façon générale, le vecteur comportera à titre d'éléments d'expression tant de l'oncogène que de la séquence codant pour la protéine, un promoteur et également un activateur de transcription ("enhancer").

Par exemple, le promoteur et l'activateur de transcription ("enhancer") de la chaîne lourde des Ig peuvent être utilisés pour diriger l'expression vers les cellules lymphoïdes ; l'introduction de c-myc ou de l'antigène T de SV40 dans la même construction, induira le développement de lymphomes invasifs.

Selon le même principe, pour induire des tumeurs du foie on utilisera des promoteurs spécifiques des cellules hépatiques pour diriger l'expression de l'oncogène. On utilisera par exemple le promoteur de l' α -antitrypsine, du facteur VIII ou du facteur IX ou de l'albumine.

Théoriquement, on peut induire une tumeur de n'importe quel type de cellule pour autant que l'on associe le promoteur, le "enhancer" et l'oncogène appropriés.

Plus particulièrement, pour engendrer des tumeurs produisant une protéine étrangère, ce qui constitue l'objet de la présente invention, on placera le gène étranger sous le contrôle d'un promoteur efficace dans les cellules tumorales.

Ainsi dans le cas des cellules lymphoïdes on a constaté que les éléments régulateurs de l'immunoglobuline étaient particulièrement efficaces.

Plus particulièrement, dans le cas des cellules de lymphome induites par c-myc sous le contrôle du promoteur et du "enhancer" de la chaîne lourde des Ig, les gènes étrangers peuvent être placés sous le contrôle du promoteur de la chaîne légère des Ig, et également sous l'influence du même élément "enhancer" de la chaîne lourde. (On peut indifféremment inverser les 2 promoteurs et placer le gène étranger sous le contrôle du promoteur de la chaîne lourde et l'oncogène sous le promoteur de la chaîne légère).

Ce type de construction aboutit à une sécrétion efficace de la protéine étrangère par la cellule tumorale, aussi bien in vivo (dans ce cas la protéine se retrouve dans la circulation sanguine de la souris transgénique) et in vitro après mise en culture de lignées cellulaires dérivées des tumeurs.

De la même manière, dans le cas des cellules de tumeur du foie, les gènes étrangers peuvent être placés sous le contrôle de promoteurs puissants dans les cellules hépatiques, comme le promoteur de l' α -antitrypsine, de l'albumine, éventuellement additionnés de l'élément "enhancer" du virus de l'hépatite B (Babinet et al. 1985).

Il est encore possible d'utiliser des promoteurs moins spécifiques, de manière à engendrer des tumeurs de plusieurs types (Palmiter 1986). Parmi les éléments couramment utilisés on peut citer le promoteur-"enhancer" de SV40, le promoteur majeur tardif de l'adénovirus, le promoteur de la métallothionéine de souris et le promoteur H-2 de souris.

Les éléments promoteurs des Ig peuvent encore être utilisés pour augmenter l'expression de gènes étrangers dans les hybridomes issus de la fusion de cellules de rate de souris transgéniques avec des cellules de myélome.

L'isolement de transhybridomes exprimant l'hormone de croissance humaine a été décrit (Babinet et al. 1986) ; le gène est placé sous le contrôle du promoteur H-2K de souris, qui est un promoteur assez faible mais avec un large spectre de cellules hôtes.

Les techniques permettant l'introduction du vecteur dans les oeufs sont connues ; en particulier, s'il est utile, afin de construire le vecteur, d'utiliser des plasmides comme intermédiaire de synthèse, il est par contre préférable d'introduire le vecteur sous forme d'ADN linéaire et débarrassé autant que faire se peut des séquences bactériennes.

Les techniques de réimplantation, de sélection et de culture sont elles aussi connues et certaines seront décrites plus en détail dans les exemples ci-annexés.

On peut encore augmenter le niveau d'expression des gènes étrangers dans les cellules tumorales ou dans les transhybridomes en liant, à ces gènes, un gène amplifiable de résistance à un inhibiteur (par exemple les gènes de la dihydrofolate réductase ou de l'adénine déaminase). Après traitement des cellules, in vitro, avec l'inhibiteur correspondant (méthotrexate ou 2'-déoxycotrimine) on peut sélectionner des clones qui présentent une co-amplification du gène à exprimer et du marqueur de sélection et donc une augmentation de l'expression du gène étranger.

La présente invention permet le développement de nouveaux systèmes de production des protéines d'intérêt thérapeutique.

L'inhibiteur de l'élastase neutrophile humaine, l' α -antitrypsine et ses variants du site actif α AT (Leu³⁵⁸), α AT (Arg³⁵⁸) et α AT (Ala³⁵⁷, Arg³⁵⁸), destinés au traitement de l'emphysème pulmonaire et de troubles thrombotiques et d'hypertension, peuvent être produits par de nouvelles lignées cellulaires, selon l'invention.

De nouvelles lignées cellulaires dérivées de tumeurs induites dans le foie permettant la production de protéines qui nécessitent un important "processing" post-traductionnel, comme le facteur IX, la protéine C et le facteur VIII de la coagulation sanguine, l'activateur tissulaire du plasminogène (TPA), la pro-urokinase, etc., ainsi que des antigènes viraux (par exemple divers antigènes du virus HIV).

D'une manière plus générale, la présente invention peut être utilisée pour l'expression et la production de toutes les protéines qui doivent être synthétisées dans des cellules eucaryotes supérieures.

La technique n'est pas limitée à l'espèce souris mais peut également être appliquée au rat, au poulet, au lapin, au porc, à la vache, aux batraciens et aux poissons.

L'invention concerne également les animaux transgéniques obtenus au cours de la mise en oeuvre du procédé selon l'invention, ainsi que les cellules et les lignées cellulaires obtenues.

Enfin, l'invention a pour objet les protéines obtenues par le procédé selon l'invention, et plus particulièrement des protéines d'origine hépatique telles que l'alpha-antitrypsine et ses variants, ou les facteurs VIII et IX de la coagulation sanguine et leurs analogues ayant sensiblement la même activité thérapeutique.

D'autres caractéristiques et avantages de l'invention apparaîtront au cours de la description suivante illustrée par les figures 1 à 11 :

Figure 1 : Structure du gène de la chaîne légère K d'immunoglobuline de souris, dérivé de la lignée de myélome MPC11.

Figure 2 : Structure du pTG1999

HCE = "heavy chain enhancer"

SS = séquence signal

Figure 3 : Construction du vecteur pTG1993 comportant les éléments de contrôle de transcription et de traduction de l'immunoglobuline.

Abbréviations : HCE "heavy chain enhancer" ;

V_{LK} promoteur de la chaîne légère ; sites de restriction :

B BamHI

P PstI

St SstI

N NsiI

Hc HincII

E EcoRI

H HpaI

X XhoI

Ha HpaI

C ClaI

Sm SmaI

Figure 4 : Introduction de l'oligonucléotide TG616/617 dans le site NsiI du pTG1958.

Figure 5 : Création d'un site ClaI dans l'intron portant la séquence signal de la chaîne légère Ig, dans le

M13TG1930.

Figure 6 : Construction du plasmide pTG1990 permettant l'introduction du cADN de l' α_1 AT dans un plasmide portant les éléments de contrôle de transcription et traduction de l'immunoglobuline (abréviations : voir figure 3 - M = méthionine ; A = arginine).

Figure 7 : Introduction d'un site SmaI dans la région 3' non traduite du cADN de l' α_1 AT (mêmes abréviations que dans la figure 3).

Figure 8 : Construction du pTG1999 à partir des plasmides pTG1993 et pTG1990.

Figure 9 : Détail de la structure du pTG1999 à partir du "Start" de l'exon 2).

Figure 10 : Introduction du gène du grand antigène T du SV40 sous le contrôle du promoteur de la chaîne lourde d'Ig dans le pTG1999 (mêmes abréviations que dans la figure 3).

Figure 11 : Introduction du gène c-myc sous le contrôle du promoteur de la chaîne lourde Ig dans le pTG1999 (mêmes abréviations que dans la figure 3).

Méthodes

1) Manipulations de l'ADN

D'une manière générale, on utilisera les méthodes classiques, décrites dans "Molecular cloning, a laboratory manual" (1982) R. Maniatis, E.F. Fritsch et J.B. Sambrook, Cold Spring Harbor press.

a. Construction de nouvelles molécules d'ADN

a.1. Préparation des vecteurs et des fragments

Les enzymes de restriction sont utilisés conformément aux instructions du fournisseur (New England Biolabs et Promega Biotech).

On incube 1-2 μ g d'ADN dans 100 μ l avec la quantité d'enzyme nécessaire pour donner une digestion complète en 2 heures à 37°C. (La digestion est vérifiée par analyse électrophorétique en gel d'agarose)

Pour diminuer le bruit de fond et empêcher la religation des vecteurs, ils sont traités à la phosphatase alcaline bactérienne ou à la phosphatase intestinale de veau, ce qui élimine les extrémités 5' phosphates (on utilise 20 unités de phosphatase en tampon Tris 0,1 M pH 8,0, pendant 2 heures à 37°C). L'ADN est purifié par extraction au phénol-chloroforme puis précipité à l'éthanol et redissous en tampon Tris 10 mM pH 7,5 EDTA 1 mM à une concentration d'environ 100 ng/ μ l.

Les vecteurs à bouts francs sont préparés par digestion à la nucléase S₁ de Aspergillus oryzae. On incube 5 μ g d'ADN, clivé par un enzyme de restriction, avec 10 unités de nucléase S₁ dans un volume de 100 μ l de solution de NaCl 0,3 M, CH₃COONa 0,03 M pH 4,8 et ZnCl₂ 0,003 M. La réaction est poursuivie à 37°C pendant 20 minutes puis elle est arrêtée par addition d'EDTA 10 mM. L'ADN est purifié comme décrit plus haut.

Les fragments d'ADN à insérer dans les vecteurs sont préparés de la manière suivante : 5 à 10 μ g d'ADN sont digérés par les enzymes de restriction appropriés et les fragments sont séparés par électrophorèse sur gel d'agarose puis le fragment choisi est récupéré à partir du gel (selon la méthode classique de Smith H.O. Methods in Enzymology (1980) 65, 371-380, ED. Grossman et Moldave).

Les fragments obtenus après mutagenèse dans les vecteurs M13 ne sont pas repurifiés avant insertion dans le vecteur puisqu'il n'y a pas de bruit de fond dû au M13 après sélection en ampicilline.

Les oligonucléotides synthétiques sont traités à la kinase avant d'être utilisés (on incube pendant 30 minutes à 37°C. 200 ng d'oligonucléotide 20 μ l de mélange réactionnel : Tris 50 mM pH 7,6, MgCl₂ 10 mM, 2-mercaptoéthanol 10 mM, spermidine 0,1 mM, EDTA 0,1 mM et 10 unités de T₄ polynucléotide kinase).

Les oligonucléotides destinés à des mutagenèses dirigées sont récupérés à ce stade, par précipitation à l'éthanol en présence de 10 μ g de t-ARN porteur.

Les oligonucléotides servant de "linkers" ou d'adaptateurs sont traités de la manière suivante :

- quand les 2 brins ne sont pas identiques, ils sont soumis à la kination ensemble ; l'appariement des 2 brins (ainsi que l'appariement des brins complémentaires) se fait par chauffage à 65°C pendant 10 minutes suivi d'un refroidissement lent à 30°C puis à 4°C pendant au moins 4 heures.

a.2. Mutagenèse dirigée de fragments d'ADN

Les fragments d'ADN à muter sont insérés dans un des dérivés simple brin du phage M13 et sont appariés avec des oligonucléotides de synthèse portant la séquence voulue.

a.3. Ligation des fragments d'ADN

Les mélanges de ligation comprennent généralement 100 ng d'ADN du vecteur et 50 à 200 ng d'ADN du fragment à insérer ou 100 à 200 p.moles d'oligonucléotide, dans 20 μ l de tampon Tris 10 mM pH 7,5, MgCl₂ 6mM, 2-mercaptoéthanol 6 mM et ATP 2 mM. L'incubation se fait à 14°C pendant 16 heures ou à température

ambiante pendant 2 heures.

a.4. Transformation des cellules compétentes

- 5 Des cellules compétentes des souches de E. coli 5 K (pour les plasmides) et JM103 (pour les M13) sont transformées selon les méthodes classiques.

b. Vérification des constructions

- 10 Des préparations d'ADN à petite échelle sont réalisées à partir des colonies résistantes à l'ampicilline ou à partir des plages de M13 et l'ADN est analysé par enzymes de restriction ou par séquençage.
Le séquençage de l'ADN est effectué par la méthode de Sanger et al. (Proc. Natl Acad. Sci. 1977, 74, 5463).

c. Préparation des fragments d'ADN en gradient de sucrose

- 15 Les gradients de sucrose (15-25 %) sont préparés en tampon Tris 50 mM pH7,5 EDTA 1 mM ; l'ADN clivé, à 10 µg dans un volume maximum de 300 µl est chargé au sommet du gradient et mis à centrifuger à 20°C pendant 16 heures à 30 K.
Des fractions successives de 400 µl sont récoltées par le sommet du gradient et analysées par
20 électrophorèse sur gel d'agarose d'un aliquot de 15 µl. Dans les fractions choisies, l'ADN est précipité à l'éthanol et purifié par extraction au phénol-chloroforme, précipité à l'éthanol et redissous en tampon TE. La pureté de la préparation est confirmée par électrophorèse sur gel. Les dilutions appropriées sont réalisées pour l'injection (de l'ordre de 5-10 ng/ml).

2) Technique d'obtention de souris transgéniques par injection d'ADN dans l'oeuf de la souris

On utilise :

- Des souris capables de produire beaucoup d'ovules et prêtes à être fécondées par des souris mâles. On choisira pour cela des souris de la souche C57xSJL que l'on traitera avec des hormones sexuelles.
30 - Des souris capables de supporter une gestation ; pour cela on utilisera des souris blanches "Swiss" qui ont déjà subi une gestation complète.

On utilisera les souris fécondées C57xSJL pour extraire de leurs ovaires les ovules fécondés.

Dans les noyaux des ovules fécondées appelés "oeufs" on injecte l'ADN étranger, puis on réimplante les
oeufs dans les ovaires des souris porteuses "Swiss" où ils se développeront.

35

a) Préparation des souris C57xSJL

Deux hormones sont injectées dans la souris avant que celle-ci ne soit mise avec un mâle.

- 48 heures avant, les souris reçoivent une injection de PMSG (pregnant mare serum gonadotrophine (FSH) à
40 10 U/souris) à une dose de 0,2 ml par souris. Ce traitement permet d'obtenir des souris qui produisent nettement plus d'ovules que des souris normales.

- Juste avant de mettre les souris femelles avec les mâles on leur injecte 0,2 ml de HCG (Human chorionique gonadotrophine (LH) à 5 U/souris) ceci pour que la femelle accepte l'accouplement avec le mâle.

- Les souris restent alors une nuit avec les mâles avec lesquels elles vont s'accoupler (90 % de femelles sont
45 fécondées).

Le lendemain matin elles sont séparées des mâles puis tuées. On extrait les deux ovaires de chaque souris (de 6 à 10 souris par jour) et de chaque ovaire on extrait les ovules et oeufs qui sont contenus dans une poche visible sous microscope.

50 b) Préparation des oeufs pour l'injection

Pour maintenir les oeufs en bon état, l'ovaire, une fois extrait est mis dans une solution de Brinster dont on équilibre le pH en le laissant dans une étuve à 37°C sous atmosphère de 5 à 6 % de CO₂.

- Les oeufs extraits de l'ovaire sont encore agglutinés par un tissu folliculaire qu'il faut éliminer en les laissant
55 20 minutes dans une solution de hyaluronidase. Ainsi individualisés les oeufs sont lavés deux fois dans la solution de Brinstère. Ils sont ensuite sélectionnés car il y a beaucoup d'oeufs aberrants ou crevés. On obtient en général 50 à 60 oeufs. Pour les manipuler ensuite sous le microscope, les oeufs sont déposés dans une goutte de solution Brinstère-Hépès additionnée de cytochalasine. Cette solution permet à l'oeuf d'avoir une meilleure résistance à l'injection.

60

c) Injection d'ADN dans les oeufs

Par observation au microscope (grossissements x100 et x200) les oeufs sont à nouveau sélectionnés. On sépare ceux qui sont fécondés (ils contiennent deux noyaux) de ceux qui ne le sont pas. Les oeufs fécondés
65 vont alors être injectés.

Pour maintenir l'oeuf en place lors de l'injection celui-ci est aspiré par une grosse aiguille aux bouts arrondis ; l'ADN est injecté avec une aiguille très fine qu'on pique dans un des noyaux : on poursuit l'injection jusqu'à ce qu'on voie la membrane de ce noyau (nucléoplasme) se dilater.

Les aiguilles sont actionnées à l'aide de micromanipulateurs installés de part et d'autre du microscope. Certains oeufs trop injectés éclatent. On les élimine et on ne garde que les oeufs correctement injectés pour la réimplantation.

d) Préparation des souris blanches "Swiss"

La veille de la manipulation, une quinzaine de souris "Swiss" sont mises avec des mâles vasectomisés, donc incapables de féconder les ovules de la femelle. Après une nuit avec le mâle il s'agit de repérer quelles femelles se sont accouplées avec les mâles. Pour ce faire il suffit de repérer à l'ouverture de l'utérus de la souris un bouchon translucide formé par le liquide spermatique du mâle. Chaque femelle ayant ce bouchon est donc considérée comme apte à commencer une gestation.

Sur une quinzaine de souris femelles, il y en a environ 1 à 5 qui seront sélectionnées pour la réimplantation.

e) Réimplantation des oeufs dans les souris porteuses

Après l'anesthésie d'une souris "Swiss" on fait une entaille dans la peau de celle-ci, au niveau où se trouve l'ovaire. Celui-ci une fois repéré est retiré hors du corps de la souris. On y repère la poche contenant les oeufs. On y fait une ouverture pour permettre l'introduction de la pipette capillaire dans laquelle on a aspiré les oeufs. On soufflé le contenu de la pipette dans la poche et ainsi les oeufs fécondés et injectés sont prêts à partir pour le cycle de la gestation.

On remet ensuite l'ovaire en place et on referme les entailles faites sur la souris.

3) Production d'hybridomes

La fusion des cellules de rate et des cellules de myelome pour produire des hybridomes se fait selon la technique décrite par Köhler, G et Milstein, 1974, Nature 256, 495.

4) Mesure de l' α_1 -antitrypsine dans le plasma des souris par test ELISA

On utilise un test ELISA "en sandwich", très sensible (capable de détecter 0,1 ng d' α_1 -AT) mis au point par Michalski et al. 1985, J. Immunol. Meth. 83, 101-112.

En résumé, un anticorps anti- α AT de chèvre est adsorbé sur les cupules des plaques d'immunodétection (Nunc-Immuplate).

Des dilutions en série d'une solution standard d' α -AT et des plasmas à analyser sont réalisées et mises en contact avec les cupules, pendant 1 heure à 37°C. Après rinçage, l' α -AT fixée est révélée par un deuxième anticorps, de lapin. Celui-ci va fixer un anticorps anti-lapin, marqué à la biotine, qui va fixer un complexe peroxydase-streptavidine (Amersham). Le complexe fixé sera révélé avec une solution de 0,1 % O-phenylenediamine (Sigma)-1 % méthanol-0,1 % peroxyde d'hydrogène-H₂O. La réaction est arrêtée après 20 minutes par addition d'acide sulfurique 3 M. La réaction colorée est mesurée au spectrophotomètre Titertek-uniscan.

Les valeurs mesurées sont portées sur un graphique à double échelle logarithmique et la courbe établie avec la solution standard d' α -AT permet de calculer les concentrations de chaque échantillon.

Exemple 1

Expression d'une protéine étrangère dans des souris transgéniques, en utilisant des éléments régulateurs de transcription et de traduction des immunoglobulines.

A. Construction d'un vecteur d'expression pour l' α_1 -antitrypsine humaine (variant Arg³⁵⁸) : pTG1999

Le gène de l' α -antitrypsine humaine a été choisi comme premier modèle. La construction de départ est un plasmide qui porte la séquence codante du variant Arg³⁵⁸ de l' α -AT, pTG1951 (Ce plasmide ne se distingue du pTG152 (décrit dans le brevet français 86.09608) que par un site de restriction ; tout autre plasmide portant le même bloc d'expression pourrait être utilisé).

La séquence codante de l' α -AT va être placée sous le contrôle des éléments régulateurs de l'immunoglobuline de souris provenant du gène réarrangé de la chaîne légère K. MPCII, décrit par Kelley et al. (1982) (voir figure 1).

La protéine de la chaîne légère est codée par 3 exons : l'exon 1 code pour la plus grande partie de la séquence signal (responsable de l'excrétion de la protéine hors des cellules), l'exon 2 code pour les 4 derniers acides aminés de la séquence signal et pour la région variable et l'exon 3 code pour la région constante. Le

promoteur est situé dans les 200 paires de bases qui précèdent le premier exon et le "enhancer" de transcription est situé dans le second intron. Il est encore possible que d'autres régions soient importantes pour la transcription et la stabilité du RNAm.

Pour fusionner la séquence codante de l' α -AT à la séquence signal de la chaîne légère, on est amené à déléter toutes les séquences en 3' de la séquence signal y compris le "enhancer". Cette délétion peut être compensée par l'insertion, en amont du promoteur, du "enhancer" de la chaîne lourde des immunoglobulines.

D'autre part, on ajoute en aval de la séquence α -AT le site de polyadénylation du SV40.

La structure du plasmide pTG1999 est schématisée dans la figure 2.

La manipulation des séquences de la chaîne légère de l'Ig est schématisée dans la figure 3 : le fragment PstI de 3,5 kb du pK⁺ MPC11 qui contient la séquence signal et la séquence codante pour la région variable a été sous-cloné dans le site PstI du plasmide pUC8 pour donner le pTG1958.

Ce plasmide a été ouvert au site unique NsiI et les extrémités ont été rendues franches par digestion à la nucléase S1, ce qui donne le pTG1967. Un petit oligonucléotide (TG616/617, représenté à la figure 4) a été introduit dans le site NsiI ; cet oligonucléotide comprend les sites de reconnaissance par les enzymes de restriction : XhoI, HpaI, ClaI.

Après insertion de l'oligonucléotide dans l'orientation voulue, le site NsiI est régénéré d'un côté. Cette manipulation permet la récupération du fragment NsiI-HindIII du pTG1958 sous forme de fragment HpaI-HindIII pour l'introduire dans un vecteur M13, pour permettre diverses manipulations et le réintroduire dans pTG1958 ou un de ses dérivés, sous forme de fragment NsiI-HindIII. Parmi plusieurs clones qui ont intégré l'oligonucléotide, on retient le pTG1967 dont le séquençage montre qu'il en a intégré une seule copie et dans l'orientation correcte (figure 4).

Le fragment HpaI-HindIII de 2 kb est ensuite introduit dans le M13mp8 ouvert par SmaI et HindIII, pour donner le M13TG1930. Par mutagenèse dirigée, on crée un site unique ClaI à la jonction entre la séquence signal et la séquence codante de la chaîne légère, pour permettre l'introduction d'un gène étranger. Le site ClaI est créé par le changement de 2 nucléotides (voir figure 5) à l'intérieur de l'intron ce qui ne doit pas entraîner de conséquence au niveau de la séquence en acides aminés ; de plus cette mutation est suffisamment éloignée du site accepteur d'"épissage" normal. La figure 5 détaille la stratégie qui a été suivie.

Un clone a été sélectionné : M13TG1932.

Le fragment NsiI-HindIII de 2 kb du M13TG1932 a été récupéré et réintroduit dans le pTG1991, un dérivé de pTG1958.

Le pTG1991 est un dérivé du pTG1958 dans lequel on a introduit un fragment de 0,9 kb contenant le "enhancer" de la chaîne lourde de l'immunoglobuline, dans le site unique StuI, environ 0,6 kb en amont de l'ATG initiateur de la chaîne légère. Le fragment contenant le "enhancer" de la chaîne lourde de l'Ig est le fragment XbaI-XbaI décrit par Church et al. (1985).

Ce fragment a été cloné dans le site XbaI de pUC18 pour donner le pTG1962 ; il a ensuite été récupéré sous forme d'un fragment SmaI-HindIII pour être introduit dans le site StuI du pTG1958. Un clone a été retenu, pTG1991, qui présente le "enhancer" dans l'orientation voulue, comme montré dans la figure 3.

Le pTG1991 a été ouvert par NsiI et HindIII et traité à la phosphatase, pour permettre l'insertion du fragment NsiI-HindIII du M13TG1932 (décrit plus haut), non phosphaté. Après ligation et transformation, les recombinants sont analysés et sélectionnés pour la présence du site ClaI. Un des candidats a été retenu : pTG1993. Ce plasmide est prêt à recevoir l'insertion d'un gène étranger à exprimer, en particulier, le gène de l' α_1 -antitrypsine.

Le plasmide pTG1951 (brevet français 86.09608) porte un insert BglII-PstI de 1,3 kb qui contient le cADN de la séquence signal et de la protéine mature de l' α_1 -antitrypsine humaine, variant Arg.

Pour introduire le signal de polyadénylation du SV40 en aval du codon stop du gène α -AT, il est nécessaire de créer un site de clivage par un enzyme de restriction. Pour cela, on effectue une mutagenèse dirigée, dans un vecteur M13 (la stratégie est schématisée dans la figure 7) : le fragment BamHI-PstI de 1,1 kb du pTG1951 est introduit entre les sites BamHI et PstI du M13mp701, pour donner le M13TG1920. Avec un nucléotide de synthèse, on crée un site SmaI, à l'extrémité 3' du M13TG1920. On retient un candidat, M13TG1923, dont la structure est vérifiée par séquençage.

Un fragment EcoRV-PstI de 0,45 kb est récupéré à partir de cette construction et réintroduit entre les sites EcoRV et PstI du pTG1950 pour donner le pTG1957 (voir figure 3).

Le signal de polyadénylation de SV40 peut être récupéré à partir d'un plasmide pTG1986 qui dérive du pUC8 par l'addition d'un fragment Sall-BglII de 0,12 kb (ce fragment contient les nucléotides 2533 à 2666 du virus SV40) qui porte le site de polyadénylation du SV40 orienté de telle sorte qu'il est actif dans le sens 5'→3' par rapport au site SmaI.

On récupère un fragment StuI-SmaI de 1,1 kb du pTG1957 pour l'introduire dans le site SmaI du pTG1986 de telle manière que le site BamHI de l'insert soit distal par rapport au site polyA. Cette construction est appelée pTG1990.

La dernière étape de la construction est le remplacement du fragment ClaI-HindIII du pTG1993 par le fragment BamHI-HindIII du pTG1990. Pour relier une extrémité ClaI avec BamHI, on utilise un adaptateur de synthèse (voir figures 8 et 9) ; celui-ci comprend également les 2 premiers codons correspondant à l' α_1 -antitrypsine mature, qui ont été délétés par la digestion BamHI.

Un recombinant, dont la structure a été vérifiée par séquençage, a été retenu : pTG1999.

B. Microinjection du pTG1999 dans les oeufs de souris

On sait que la présence de séquences du vecteur (pBR322, pUC8, pUC18) peut avoir un effet inhibiteur sur l'expression d'un transgène dans l'animal. Pour débarrasser la construction Ig- α AT du pTG1999 des séquences du vecteur, on digère le plasmide par Sall et XmnI (figure 8). Le fragment recherché, de 4,0 kb, est séparé des 2 autres fragments (de 0,8 et 1,8 kb) par centrifugation en gradient de sucrose. Le pool des fractions contenant le 4,0 kb est ensuite précipité à l'éthanol, redissous dans 200 μ l de tampon TE, extrait au phénol-chloroforme, reprécipité à l'éthanol et redissous dans 10 μ l de tampon TE. La solution d'ADN finale est analysée par électrophorèse sur gel d'agarose pour vérifier l'absence de traces de fragments de vecteur contaminant.

Cette préparation d'ADN à 40 ng/ml est injectée dans les oeufs fertilisés de souris. On injecte environ 500 copies par oeuf. Au total, on a injecté 1014 oeufs qui ont été réimplantés dans 72 souris femelles. On a obtenu 158 souriceaux.

On analyse l'ADN de chacun des souriceaux, sur une préparation d'ADN extrait à partir des queues des souriceaux, par hybridation avec une sonde radioactive dérivée du pTG1990 par "nick translation". Un seul souriceau donne un signal positif indiquant la présence du gène, il a été numéroté S.TG1999/1.

Une deuxième expérience a été réalisée dans les mêmes conditions ; on a injecté 706 oeufs ; ils ont été réimplantés dans 32 souris femelles ; on a obtenu 87 souriceaux vivants. Parmi ceux-ci, 7 ont intégré le transgène : S.TG1999/2 à 8.

La souris S.TG1999/1 est une femelle. Elle a été accouplée avec un mâle et on a étudié sa descendance pour vérifier si le transgène était stable d'une génération à l'autre. Parmi 19 souriceaux obtenus en 3 portées, 5 portaient le transgène. Il est donc plus probable que la souris S.TG1999/1 était une "mosaïque" plutôt qu'une souris homogène dont chaque cellule avait intégré le gène.

C. Mesure de l' α -antitrypsine dans le sang de la souris transgénique S.TG1999/1

La quantité d' α -antitrypsine présente dans le plasma de la souris transgénique a été déterminée par un test Elisa (décrit dans le paragraphe Méthodes).

Les résultats sont présentés dans le tableau I.

On détecte une quantité significative d' α -AT : de 2 à 8 μ g/ml. Le modèle de mise du gène étranger sous la dépendance des éléments de contrôle de transcription et traduction des immunoglobulines est donc bien fonctionnel dans la souris.

D. Production d' α_1 -antitrypsine par des hybridomes dérivés de la souris S.TG1999/1

La souris S.TG1999/1 a été stimulée avec de l'adjuvant de Freund et sacrifiée une semaine plus tard. A ce moment on détectait 15 μ g/ml d' α -AT dans le sang.

Les lymphocytes de la rate ont été préparés et fusionnés avec les cellules de myélome P3.X63Ag8.653. 48 clones ont été obtenus et les surnageants des cultures analysées par Elisa.

Les 2 clones meilleurs producteurs, A2 et A5, produisent 3 ng/ml. Après sous-clonage on a obtenu une production de 10-15 ng/ml après 5 jours de culture.

Exemple 2

Induction de tumeurs dans des souris transgéniques avec des vecteurs comportant le grand antigène T de SV40 et le bloc d'expression de l' α_1 -antitrypsine humaine.

A. Construction du vecteur

On récupère les éléments du SV40, la totalité du gène du grand antigène T et le signal de polyadénylation, à partir d'un plasmide qui a été construit pour exprimer la glycoprotéine de la rage, pTG173 (brevet français 83.15716) mais tout autre plasmide portant les mêmes séquences pourrait être utilisé.

Le plasmide pTG173 (figure 10) comprend, entre les nucléotides 2533 et 346, la totalité du grand antigène T de SV40 avec son signal de polyadénylation. Il peut être récupéré sous forme d'un fragment StuI-BamHI de 2,65 kb mais la coupure par StuI délète la région promoteur précoce jusqu'à l'ATG initiateur.

Pour introduire un promoteur d'immunoglobuline en amont du gène T de SV40, on a digéré le plasmide pTG173 avec StuI, qui coupe le plasmide une deuxième fois dans le gène de la protéine rabique (figure 10).

Pour récupérer le promoteur de la chaîne lourde de l'immunoglobuline de souris, on utilise un plasmide pCLSvp, dérivé de pUC18 qui contient 2 polylinkers et un insert de 400 pb dérivé de l'hybridome NP-185-2 décrit par Bothwell et al. (1981).

Un fragment SmaI-SmaI est choisi pour être introduit dans le grand fragment StuI-StuI du pTG173 (figure 10), par ligation d'extrémités à bouts francs. Les transformants obtenus sont analysés pour déterminer l'orientation de l'insert Ig et un candidat est retenu : pTG2914.

La dernière étape de cette construction est l'insertion des séquences promoteur Ig-gène T de SV40, sous forme d'un fragment BamHI, dans le site BglII du pTG1999 (décrit dans l'exemple 1).

Le promoteur de la chaîne lourde d'Ig se retrouve ainsi sous la séquence "enhancer" de la même Ig et la transcription qu'il contrôle se fait en sens opposé de celle du gène α -AT (figure 10).

5 Cette étape nécessite une digestion partielle par BamHI, dans des conditions bien contrôlées, parce qu'il existe aussi un site BamHI entre l'antigène T et le promoteur Ig.

Le fragment d'ADN partiellement digéré par BamHI est ensuite inséré dans le pTG1999 ouvert par BglII et traité à la phosphatase.

10 Les transformants sont analysés pour l'orientation respective de leurs inserts et pour vérifier qu'il n'y a pas eu de réarrangement dans l'insert de 3.5 kb pendant le clonage. Un candidat a été retenu : pTG2917.

Comme dans l'exemple précédent, cette construction a été débarrassée des séquences du vecteur, par digestion cette fois avec l'enzyme FnuDII qui coupe plusieurs fois dans le vecteur mais pas dans le bloc d'expression. Le fragment FnuDII de 2,7 kb a été purifié en gradient de sucrose et préparé pour la microinjection, comme décrit dans l'exemple 1.

15

B. Injection du fragment FnuDII de 7,2 kb du pTG2917 dans les oeufs de souris

On injecte environ 500 copies par oeuf ; 1166 oeufs ont été injectés et réimplantés dans 104 femelles ; on a obtenu 78 souriceaux vivants ; parmi ceux-ci, 11 ont intégré le transgène.

20

C. Détermination du taux d' α -antitrypsine dans le plasma des souris transgéniques S.TG-2917

Les taux d' α -AT mesurés dans les plasmas des souris transgéniques sont présentés dans le tableau I (9 souris - 2 sont mortes pendant les manipulations).

25

Les souris qui ont survécu assez longtemps ont été étudiées une deuxième fois. Les autres sont mortes soit au cours des prises de sang par ponction cardiaque, soit à cause de la croissance de leurs tumeurs. Dans les souris S.TG2917/2, 4, 7 et 9, l'augmentation du taux d' α -AT mesuré à la deuxième prise de sang est probablement due au développement des tumeurs.

30

D. Pathologie des souris transgéniques et formation des tumeurs

Jusqu'au moment du développement des tumeurs, les souris transgéniques ne se distinguent pas fort des souris normales de la même portée. Cependant certains animaux présentent une morphologie particulière de la tête qui est plus petite et plus ronde et cette caractéristique est transmissible à la descendance. De plus certains animaux présentent des troubles neurologiques et moteurs. La cause précise de ces troubles n'est pas connue.

35

Le développement des tumeurs se produit entre 10 et 18 semaines après la naissance. Dans la plupart des cas on observe une hypertrophie des ganglions lymphoïdes et du thymus. On observe parfois de grosses masses tumorales dérivées des ganglions lymphoïdes mésentériques ou brachiaux. On peut observer des hyper- ou des hypo-trophies de la rate et parfois un élargissement des glandes salivaires. On ne trouve pas de tumeurs dans le cerveau alors qu'on en décrit pour des tumeurs induites par l'antigène T du SV40 sous le contrôle du promoteur précoce de SV40.

40

45

50

55

60

65

Tableau I Détermination du taux d' α -AT dans le plasma des souris transgéniques portant le fragment SalI du pTG2917.

Souris	Age au moment de la mort	µg/ml d' α -AT dans le plasma		cause de la mort	remarques
		11.02.1987	2ème prise		
S.TG2917/1	13	0,32		défaillance cardiaque pendant prise de sang	descendance
S.TG2917/2	18	0,92	2,4 18.3.87	sacrifiée - nombreuses tumeurs lymphoïdes	
S.TG2917/3	11	0,8		occlusion intestinale causée par tumeurs des ganglions mésentériques	
S.TG2917/4	18	1	2 25.3.87	sacrifiée - nombreuses tumeurs	descendance
S.TG2917/5	13	0,72		sacrifiée - nombreuses tumeurs	
S.TG2917/6	vivante	0		-	faux transgénique (dé montré plus tard)
S.TG2917/7	14	0,8	3,2 18.3.87	sacrifiée - nombreuses tumeurs lymphoïdes	tête arrondie ; difficultés motrices ; descendance
S.TG2917/8	10	2,43		sacrifiée - nombreuses tumeurs lymphoïdes	
S.TG2917/9	14	0,6	3,8 18.3.87	sacrifiée - nombreuses tumeurs lymphoïdes	tête arrondie ; difficultés motrices ; descendance

E. Propagation des cellules tumorales in vivo

La propagation des cellules des tumeurs choisies des souris transgéniques peut s'effectuer par injection sous-cutanée ou intrapéritonéale de 10^6 à 10^7 cellules récupérées à partir d'une masse tumorale (par pression légère sur la masse cellulaire), en milieu Eagle + 10 % FC sérum. Les souris réceptrices sont des hybrides C57xSJL.

On a tenté la propagation des cellules tumorales des souris S.TG2917/1, 2917/4, 2917/7 et 2917/8. Seuls les extraits de STG2917/8 ont induit le développement de nouvelles tumeurs.

L'étude post-mortem de ces souris montre une hypertrophie de la rate, du thymus, de l'utérus. L'examen histologique de ces tissus montre une invasion par un grand nombre de cellules d'origine lymphoïde. Ces cellules sont plus petites que celles qu'on observe dans les tumeurs des souris transgéniques S.TG2926 (exemple suivant) ce qui indique un stade de développement ultérieur.

On a examiné le plasma de ces souris portant des tumeurs de 2ème génération : on y trouve de 0,5 à 1 $\mu\text{g/ml}$ d' α -AT, selon la souris.

F. Propagation des cellules tumorales in vitro

On prélève un fragment de tissu tumoral, après la mort de la souris, et on le place dans 5 ml de milieu de culture Eagle + 10 % FC sérum + 50 μM mercaptoéthanol + 100 μM asparagine, et on injecte doucement le milieu dans la masse tumorale, pour dissocier les cellules. On récupère les cellules et on inocule entre 10^6 et 10^7 cellules par boîte de Pétri de diamètre de 2,5 cm. On incube les cultures à 37°C en atmosphère de 5 % CO_2 , pendant 2 jours.

Le surnageant des cultures est ensuite mesuré en test Elisa pour déterminer la quantité d' α -AT sécrétée. On a obtenu 3 ng/ml.

Exemple 3

Induction de tumeurs dans les souris transgéniques par l'intermédiaire d'un vecteur comportant le gène c-myc de souris et le bloc d'expression de l' α_1 -antitrypsine humaine

A. Construction du vecteur

Une construction semblable à celle du pTG2917 a été réalisée ; le gène T de SV40 a été remplacé par un fragment Xba-BamHI de 4,8 kb contenant les exons 2 et 3 du gène c-myc de souris.

Ce fragment a été récupéré à partir du pSV2gpt/c-myc (voir figure 11). Ce plasmide (décrit par Bernard et al. 1983) contient un fragment Xba-BamHI de 4,8 kb qui comprend les 2ème et 3ème exons du gène c-myc de souris (le 1er exon est non codant). Le promoteur de la chaîne lourde des Ig a été récupéré, dans ce cas-ci, sous forme de fragment XbaI, à partir du pCSLvp et introduit en amont du gène c-myc, dans le site XbaI du pSV2gpt. Un candidat a été retenu, pTG2903 ; l'orientation respective des inserts est notée dans la figure 11.

Il existe un site Sall entre le promoteur Ig et le gène c-myc. Pour faciliter les constructions ultérieures et récupérer l'ensemble comme un seul fragment de restriction, il est nécessaire de supprimer ce site. Pour cela on a ouvert le pTG2903 par Sall, digéré les extrémités simple brin par la nucléase S_1 et refermé le plasmide par la ligase T4.

On retient le clone pTG2910 ; l'analyse de sa carte de restriction confirme qu'il a perdu le site Sall mais que les sites XbaI et SphI sont conservés, montrant que la digestion S_1 n'a pas été poussée trop loin.

Le fragment BamHI de 5,2 kb du pTG2910 contenant le promoteur de la chaîne lourde Ig et le gène c-myc a ensuite été introduit dans le site BglII du pTG1999. On retient un transformant, pTG2926 dans lequel la transcription de c-myc s'opère en sens opposé de celle de l' α -AT.

Pour préparer l'ADN à injecter dans les oeufs de souris, on élimine les séquences du vecteur, comme décrit plus haut, par digestion par Sall.

B. Injection du fragment Sall de 8.8 kb dans les oeufs de souris et obtention de souris transgéniques

On injecte environ 500 copies par oeuf ; on a injecté 1102 oeufs qui ont été réimplantés dans 50 souris femelles ; on a obtenu 69 souriceaux vivants dont 11 portent le transgène (S.TG2926/1 à 11).

Les résultats sont présentés dans le tableau II.

Comme dans l'exemple précédent, on mesure une quantité significative d' α -AT dans le plasma.

Deux souris (S.TG2926/3 et 8) sont mortes avant d'avoir été examinées ; 5 souris sont mortes ou ont été sacrifiées entre 8 et 9 semaines après la naissance et présentaient de nombreuses tumeurs lymphoïdes ; 3 souris sont encore vivantes.

4 souris ont vécu assez longtemps pour être accouplées avec un mâle ; 2 seulement ont donné une descendance (S.TG2926/6 et 11).

C. Pathologie des souris transgéniques et formation des tumeurs

Presque toutes les souris transgéniques de cette série sont plus petites que les souris normales de la même portée.

Les souris qui développent des tumeurs présentent en même temps un gonflement des ganglions lymphoïdes axiaux et brachiaux. Ces souris ont aussi des problèmes moteurs et finissent par ne plus bouger, tout en présentant des palpitations constantes.

5

10

15

20

25

30

35

40

45

50

55

60

65

Tableau II Détermination du taux d' α -AT dans le plasma des souris transgéniques obtenues après injection du fragment SaII du pTG2926.

Souris	Age au moment de la mort (semaines)	μ g/ml d' α -AT dans le plasma		cause de la mort	remarques
		1ère prise	2ème prise		
S.TG2926/1	encore vivante	0,04 10.3.87	0 30.4.87	-	descendance
S.TG2926/2	9	1,8 (le jour du sacrifice)		sacrifiée - nombreuses tumeurs lymphoïdes	
S.TG2926/3	4	NT		pas examiné	
S.TG2926/4	8	NT		sacrifiée - nombreuses tumeurs	
S.TG2926/5	12	NT		morte de ses tumeurs	
S.TG2926/6	12	20 (le jour de sacrifice)		sacrifiée - nombreuses tumeurs	descendance
S.TG2926/7	encore vivante	0,032 10.3.87	0 30.4.87	-	
S.TG2926/8	?	NT		-	
S.TG2926/9	8	1,13 (le jour de sacrifice)		sacrifiée - nombreuses tumeurs lymphoïdes	
S.TG2926/10	8	2 (le jour de sacrifice)		sacrifiée - nombreuses tumeurs lymphoïdes	
S.TG2926/11	encore vivante		0,8 30.4.87	-	descendance

Le moment du développement de la tumeur et de la mort de l'animal varie d'une souris à l'autre. A l'examen post-mortem, elles présentent toutes une hypertrophie des ganglions lymphoïques, du thymus et de la rate, et parfois d'importantes tumeurs dérivées des ganglions mésentériques ou brachiaux.

L'examen histologique de ces tumeurs montre une importante infiltration par des cellules d'origine lymphoïde, B ou T.

3 souris (S.TG2926/1, 7 et 11) sont encore vivantes 18 semaines après leur naissance et ne semblent pas affectées par la présence du transgène.

D. Propagation des cellules tumorales in vivo

Les cellules sont récupérées à partir des tumeurs des ganglions brachiaux ou du thymus, comme décrit dans l'exemple précédent, et injectées par voie sous-cutanée ou intrapéritonéale, à une dose de 10^5 - 10^7 cellules par souris (C57xSJL).

Toutes les souris injectées tombent malades dans les 2 semaines qui suivent l'injection, avec des symptômes semblables à ceux des souris transgéniques de première génération.

On mesure un taux d' α -AT de 1 à 2 μ g/ml dans le plasma.

Les cellules tumorales peuvent être récupérées et réinjectées sur de nouvelles souris : celles-ci développent les mêmes tumeurs et produisent de 1 à 2 μ g/ml d' α -AT dans le plasma.

L'examen histologique des souris réinjectées montre que les tumeurs ont la même morphologie et la même localisation que dans les premières souris transgéniques. On constate que les tumeurs induites par le pTG2926 ont un caractère très agressif et invasif.

On a tenté d'obtenir des tumeurs d'ascites d'Ehrlich, par injection intrapéritonéale des cellules tumorales dans des souris préalablement traitées au pristane. Les souris n'ont pas développé de tumeurs d'ascites mais ont présenté une hypertrophie des ganglions lymphatiques, surtout mésentériques, et la formation de tumeurs. Cette expérience montre donc la nécessité, pour la multiplication de ces cellules transformées, d'un environnement physiologique typique de tissu lymphoïde.

E. Propagation des cellules tumorales in vitro

Les cellules tumorales ont été mises en culture, comme dans l'exemple 2.

Le surnageant des cultures a été mesuré en test Elisa ; on obtient de 50 à 600 ng d' α -AT/ml.

Il est donc possible d'obtenir des lignées cellulaires permanentes qui expriment et sécrètent l' α -AT.

Les conditions de culture et de production peuvent encore être optimisées.

F. Etude de la descendance des souris transgéniques S.TG2926

Quelques souris ont donné une descendance (voir tableau II) : la souris S.TG2926/6 a donné 15 souriceaux dont 8 portaient le transgène ; la S.TG2926/11 a donné 13 souriceaux dont 6 portaient le transgène.

La descendance des souris S.TG2926/1 et 7 ne portait pas le transgène.

Dépôt de souches représentatives de l'invention

Les souches suivantes ont été déposées à la Collection Nationale de Cultures de Microorganismes (25 Rue du Dr. Roux, Paris), le 15 juin 1987 :

5K/pTG1999 sous le n° 1668

5K/pTG2917 sous le n° 1669

5K/pTG2926 sous le n° 1670.

REFERENCES

- 1) Palmiter, R.D. & Brinster, R.L. Ann. Rev. Genetics 20, 465-499 (1986).
- 2) Swift, G.H., Hammer, R.E., MacDonald, R.J. & Brinster, R.L. Cell 38, 639-646 (1984).
- 3) Adams, J.M., Harris, A.W., Pinkert, C.A., Corcoran, L.M. & Alexander, W.S. Nature 318, 533-538 (1985).
- 4) Quaife, C.J., Pinkert, C.A., Ornitz, P.M., Palmiter, R.D. & Brinster, R.L. Cell, 1023-1034 (1987).
- 5) Rüther, U., Garber, Ch., Komitowski, Müller, R. & Wagner, E. F. Nature 325, 412-416 (1987).
- 6) Palmiter, R.D., Chen, H.Y., Messing, A. & Brinster, R.L. Nature 316, 457-460 (1985).
- 7) Babinet, C., Morello, D., Rougeot, C. & Rouyre, S. Eur. J. Immunol. 16, 1033-1035 (1986).
- 8) Babinet, C., Farza, H., Morello, D., Hadchouel, M. & Pourcel, C. Science 230, 1160-1163 (1985).
- 9) Sifers, R.N., Carlson, J.A., Clift, S.M., Demayo, F.J., Ballock, D.W. & Woo, S.L.C. Nucl. Acids Res. 15, 1459-1475 (1987).
- 10) Overbeek, P.A., Chepelinsky, A., Khillan, J.S., Piatigorsky, J. & Westphal, H. Proc. Natl. Acad. Sci. USA 82, 7815-7819 (1985).

- 11) Kelley, D.E., Coleclough, C. & Perry, R.P. Cell 29, 681-689 (1982).
 12) Church, G., Ephrussi, A., Gilbert, W. & Tonegawa, S. Science 227, 134-140 (1985).
 13) Bothwell, A.L.M., Paskind, M., Reth, M., Imamiski-Kari, T., Rajewsky, K. & Baltimore, D. Cell 24, 625-637 (1981).
 14) Bernard, O., Cory, S., Gerondakis, S., Webb, E. & Adams, J.M. EMBO J. 2, 2375-2383 (1983).

Revendications

- 1) Procédé de préparation d'une lignée cellulaire stable produisant une protéine déterminée, caractérisé en ce que :
 - a) - on prépare un vecteur comportant
 - une séquence oncogène ainsi que les éléments assurant son expression dans une cellule eucaryote supérieure,
 - un bloc d'expression qui comprend au moins la séquence codant pour ladite protéine ainsi que les éléments assurant son expression dans une cellule eucaryote supérieure tumorale ;
 - b) - on introduit ce vecteur dans un ou plusieurs oeufs d'un animal et on réimplante le ou les oeufs obtenus ;
 - c) - on sélectionne les descendants ayant intégré l'oncogène et qui développent des tumeurs ;
 - d) - on prélève et on cultive sur un milieu approprié les cellules tumorales ainsi obtenues et qui produisent la protéine déterminée afin d'obtenir une lignée cellulaire.
- 2) Procédé selon la revendication 1, caractérisé en ce qu'avant d'être cultivées à l'étape d), les cellules tumorales prélevées sont réinjectées dans un autre animal pour induire le développement de nouvelles tumeurs dont les cellules seront cultivées pour obtenir une lignée cellulaire.
- 3) Procédé selon l'une des revendications 1 et 2, caractérisé en ce que les cellules tumorales prélevées et cultivées sont celles d'un animal d'une génération suivante développant également des tumeurs.
- 4) Procédé selon l'une des revendications 1 à 3, caractérisé en ce que l'oncogène est choisi pour pouvoir s'exprimer dans l'animal traité.
- 5) Procédé selon la revendication 4, caractérisé en ce que l'oncogène est choisi parmi : c-myc, c-ras, c-fos et l'antigène T de SV40.
- 6) Procédé d'obtention de lignées cellulaires produisant une protéine déterminée selon la revendication 1, caractérisé en ce que :
 - a) - on prépare un vecteur comportant
 - un bloc d'expression qui comprend au moins la séquence codant pour ladite protéine ainsi que les éléments assurant son expression dans une cellule eucaryote supérieure ;
 - b) - on introduit ce vecteur dans un ou plusieurs oeufs d'un animal et on réimplante le ou les oeufs obtenus ;
 - c) - on sélectionne les descendants ayant intégré la séquence codant pour ladite protéine ;
 - d) - on fusionne les lymphocytes de la rate de ces animaux avec des cellules de myélome et on sélectionne des clones d'hybridome produisant la protéine.
- 7) Procédé selon l'une des revendications 1 à 6, caractérisé en ce que le vecteur est pratiquement dépourvu d'ADN bactérien.
- 8) Procédé selon l'une des revendications 1 à 7, caractérisé en ce que le vecteur est un fragment d'ADN linéaire.
- 9) Procédé selon l'une des revendications 1 à 8, caractérisé en ce que les éléments assurant l'expression de l'oncogène et ceux assurant l'expression de la protéine déterminée sont spécifiques d'un tissu ou d'un type de cellule.
- 10) Procédé selon l'une des revendications 1 à 9, caractérisé en ce que les éléments assurant l'expression comprennent un promoteur et un activateur de transcription.
- 11) Procédé selon l'une des revendications 1 à 10, caractérisé en ce que le gène codant pour ladite protéine est associé à un gène d'amplification et en ce que l'on amplifie le nombre de copies du gène codant pour ladite protéine en utilisant le gène d'amplification dans les cellules obtenues.
- 12) Procédé selon la revendication 11, caractérisé en ce que le gène d'amplification est choisi parmi le gène de la dihydrofolate réductase ou de l'adénine déaminase.
- 13) Procédé selon l'une des revendications 1 à 12, caractérisé en ce que pour l'expression de l'oncogène et de la protéine dans une cellule lymphoïde, les éléments assurant l'expression sont les éléments régulateurs de l'immunoglobuline.
- 14) Procédé selon la revendication 13, caractérisé en ce que le ou les promoteurs sont choisis parmi :
 - . P.Ig (LC) qui représente le promoteur de la chaîne légère des immunoglobulines, et
 - . P.Ig (HC) qui représente le promoteur de la chaîne lourde des immunoglobulines, et l'activateur de transcription est :
 - . (enh).Ig qui représente le "enhancer" de la chaîne lourde des immunoglobulines.
- 15) Procédé selon l'une des revendications 1 à 12, caractérisé en ce que pour l'expression de

l'oncogène et de la protéine dans les cellules hépatiques, les éléments assurant l'expression sont des éléments régulateurs de la synthèse d'une protéine hépatique ou d'un virus hépatique.

16) Procédé selon la revendication 15, caractérisé en ce que le promoteur est choisi parmi les promoteurs de l'alpha-antitrypsine, de l'albumine et l'activateur de transcription est celui du virus de l'hépatite B.

17) Procédé selon l'une des revendications 1 à 16, caractérisé en ce que l'animal est choisi parmi les mammifères, les oiseaux, les reptiles et les poissons.

18) Procédé selon l'une des revendications 1 à 17, caractérisé en ce que la protéine déterminée est une protéine d'intérêt thérapeutique choisie parmi les protéines humaines ou animales et les antigènes viraux ou d'autre origine.

19) Procédé selon la revendication 18, caractérisé en ce que la protéine déterminée est une protéine humaine d'origine hépatique et en ce que la lignée cellulaire obtenue est une lignée de tumeur hépatique.

20) Procédé selon la revendication 18, caractérisé en ce que la protéine déterminée est choisie parmi :
l'alpha-antitrypsine,

les facteurs de coagulation du sang,

leurs variants ou analogues ayant ou non sensiblement la même activité thérapeutique.

21) Procédé selon la revendication 20, caractérisé en ce que la protéine déterminée est choisie parmi le facteur VIII et le facteur IX.

22) Animal transgénique obtenu par la mise en œuvre du procédé selon l'une des revendications 1 à 21.

23) Animal selon la revendication 22, caractérisé en ce qu'il s'agit d'une souris.

24) Cellule d'un animal transgénique selon l'une des revendications 22 ou 23, caractérisée en ce qu'elle exprime l'oncogène et la protéine déterminée.

25) Cellule selon la revendication 24, caractérisée en ce qu'il s'agit d'une cellule lymphoïde ou d'une cellule hépatique.

26) Tumeurs résultant de la transformation des cellules selon l'une des revendications 24 ou 25.

27) Lignées cellulaires pouvant être obtenues par le procédé selon l'une des revendications 1 à 21, ou dérivant des tumeurs selon la revendication 26.

28) Procédé de préparation d'une protéine déterminée à partir de cellules eucaryotes supérieures, caractérisé en ce qu'on utilise les lignées cellulaires selon la revendication 27 et on récupère la protéine obtenue.

29) Protéine obtenue par le procédé selon la revendication 28.

30) Protéine obtenue par le procédé selon la revendication 28, caractérisée en ce qu'il s'agit de l'alpha-antitrypsine ou d'un de ses variants.

31) Protéine obtenue par le procédé selon la revendication 28, caractérisée en ce qu'il s'agit du facteur VIII ou du facteur IX de la coagulation sanguine ou d'une protéine ayant la même activité biologique.

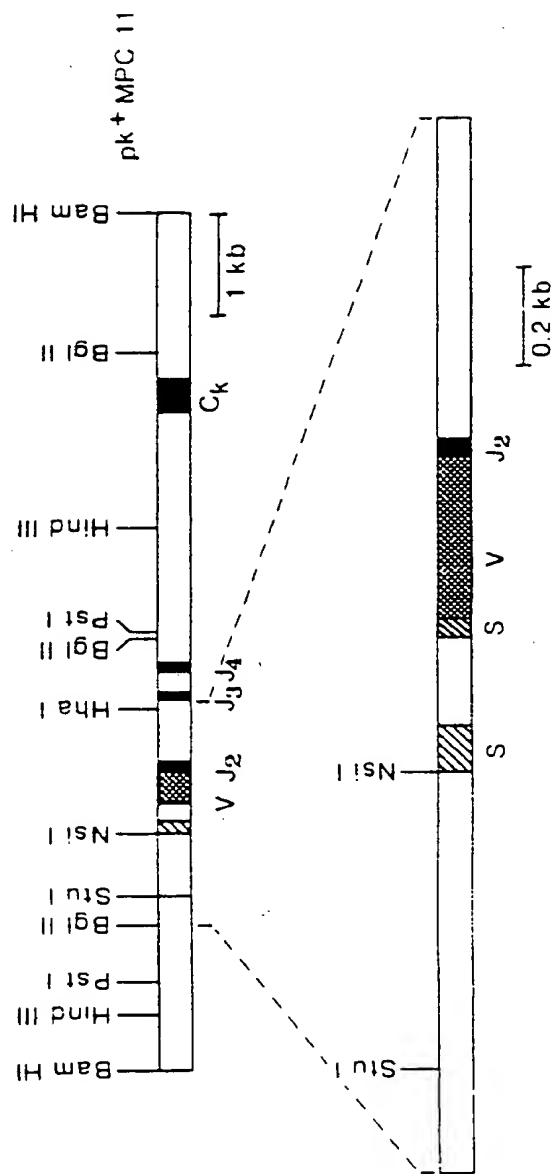
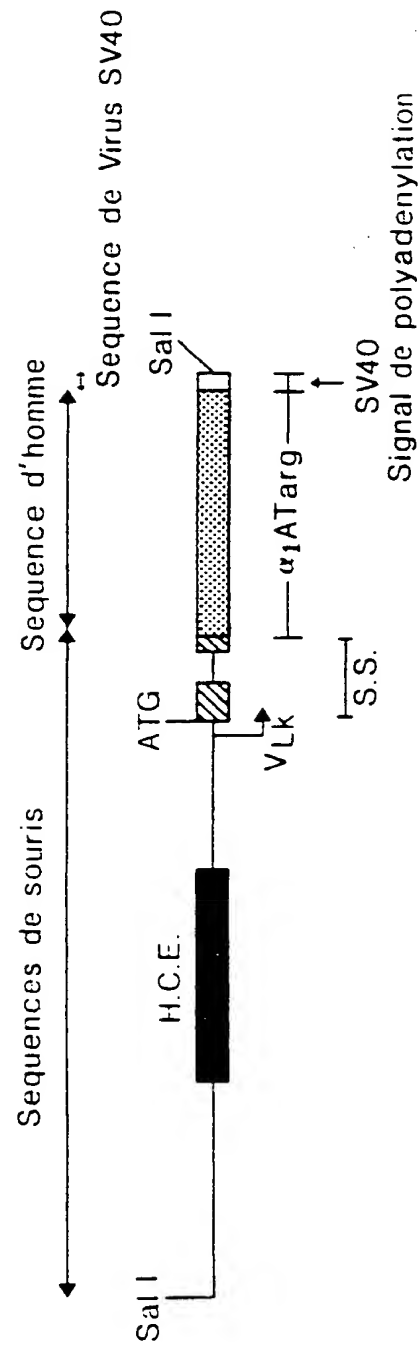


FIG-1

FIG-2

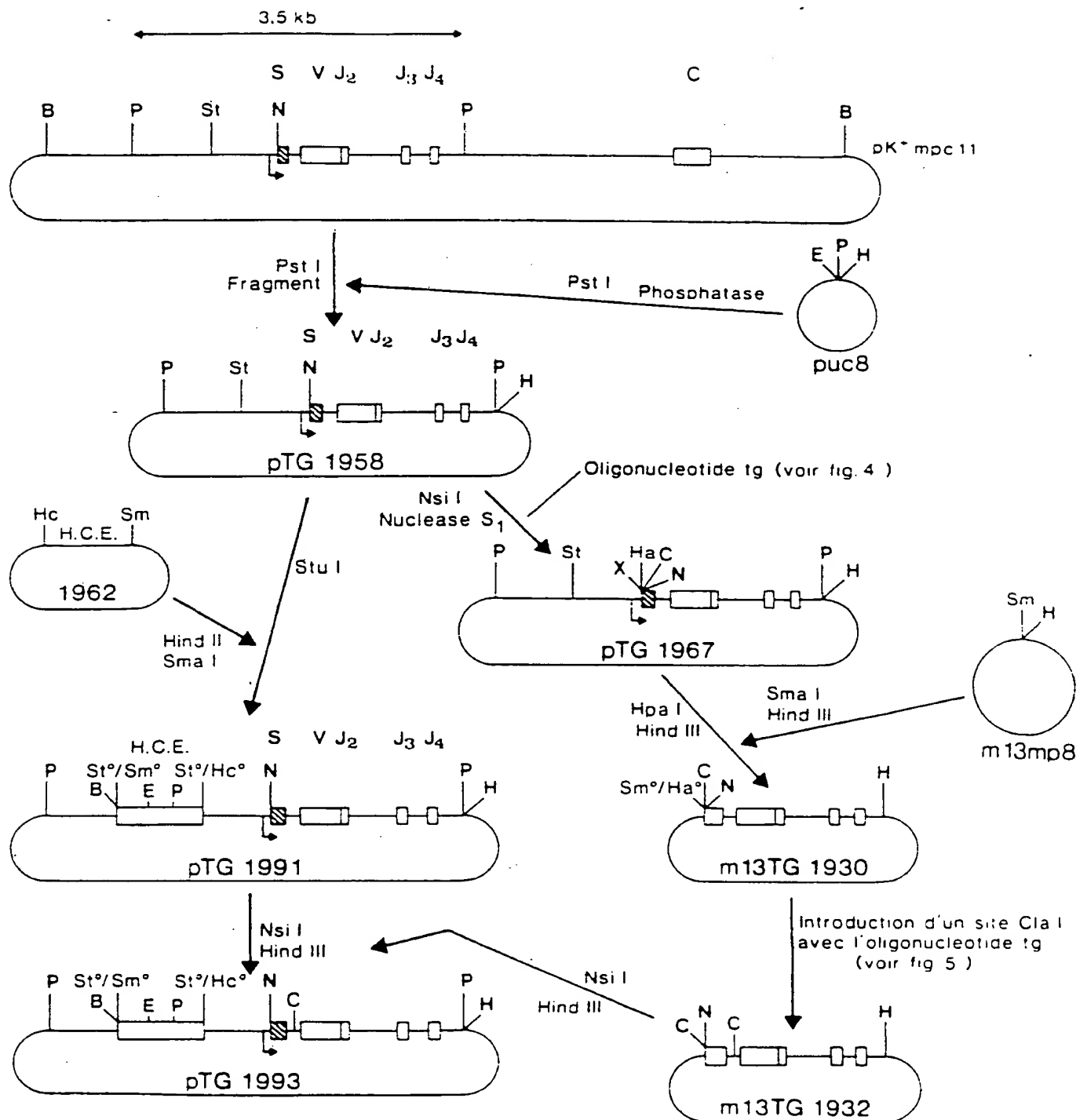


FIG-3

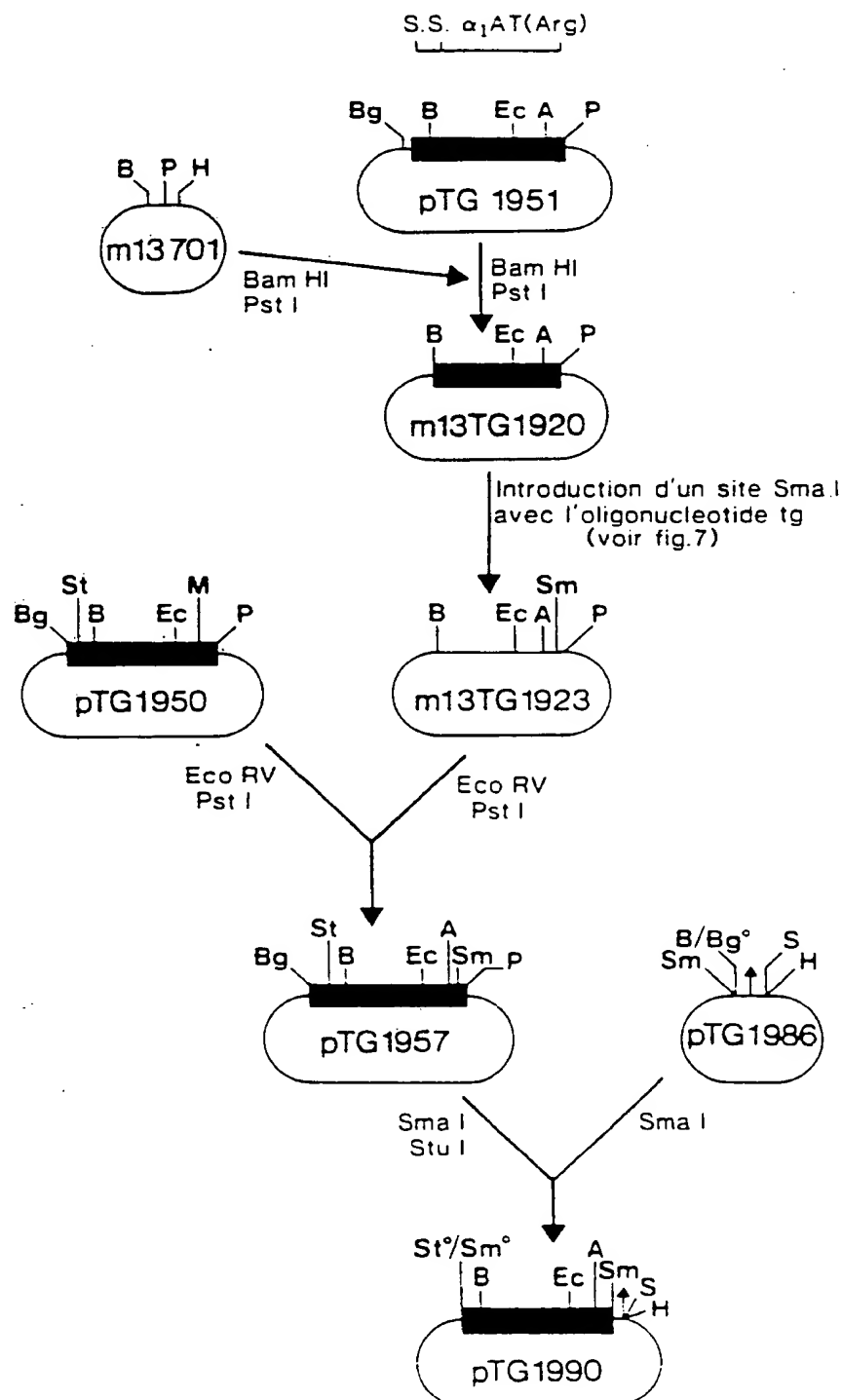


FIG-6

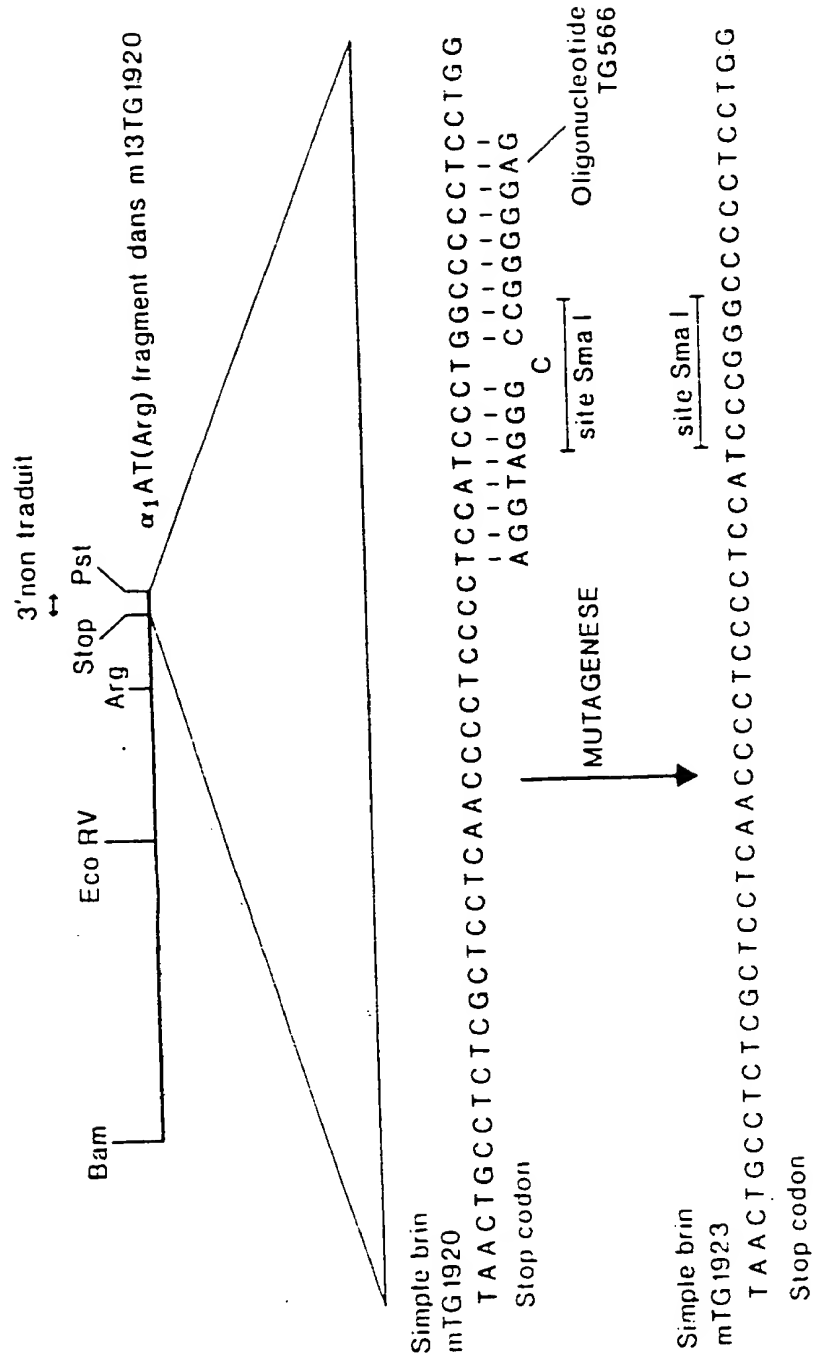
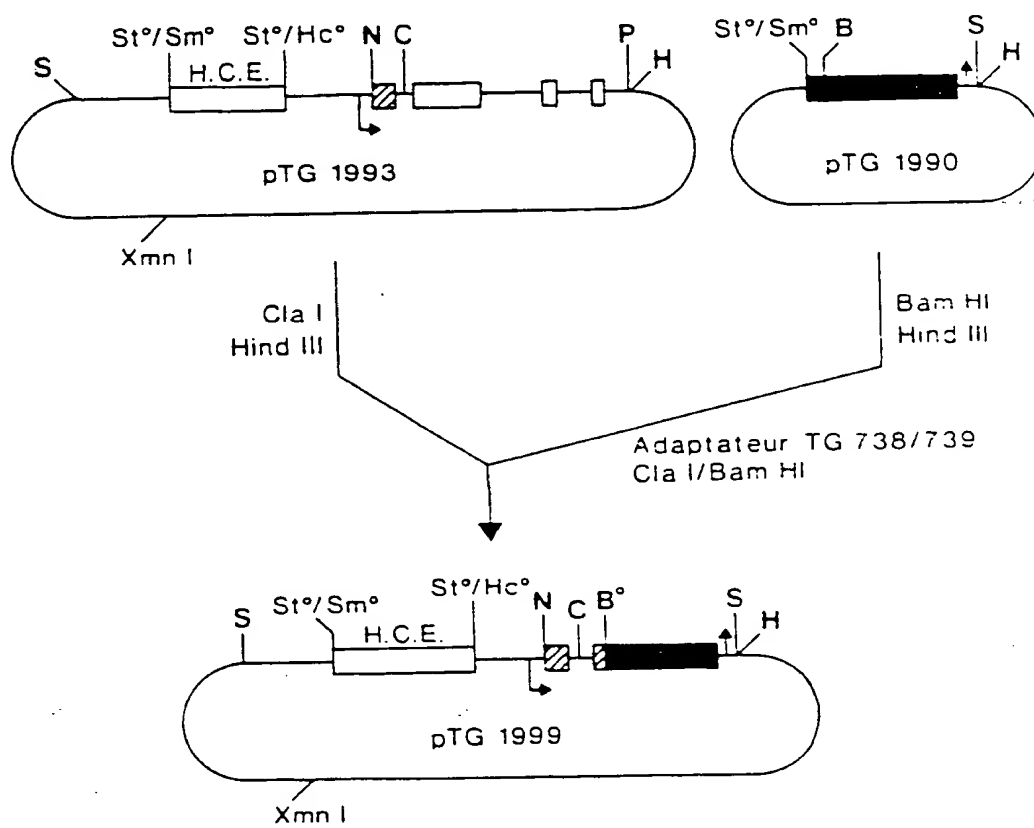


FIG-7

FIG-8

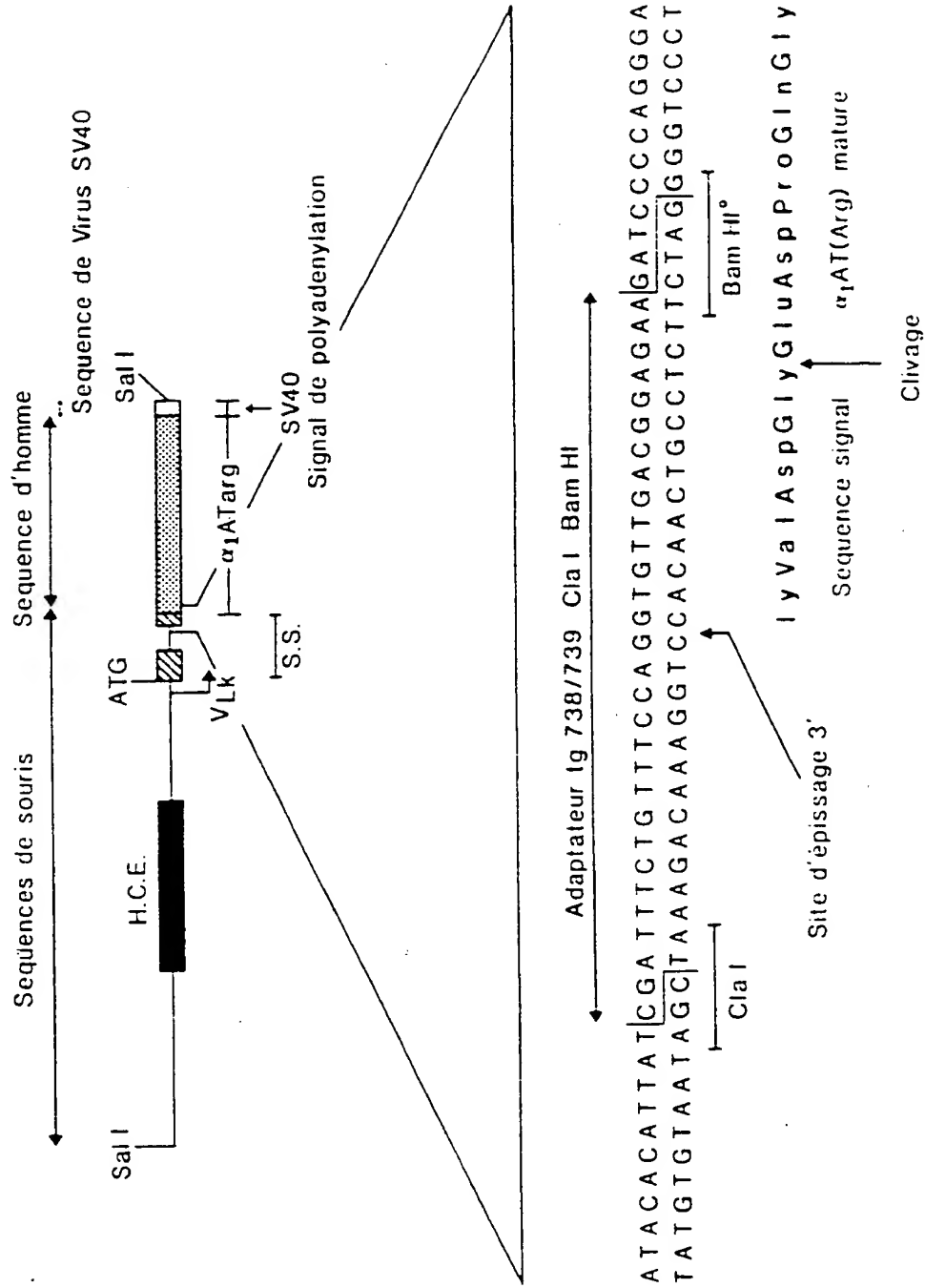


FIG-9

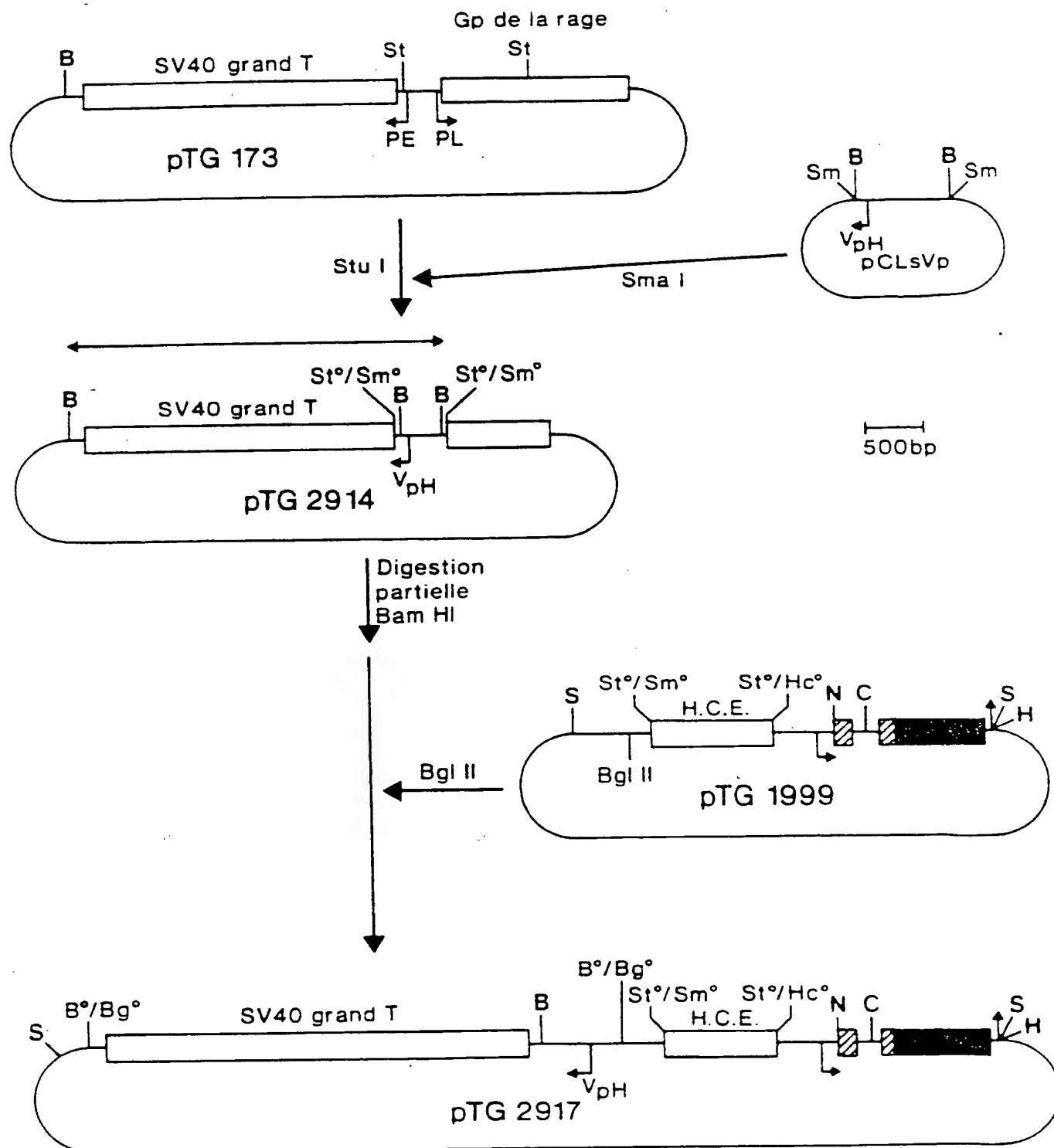


FIG-10

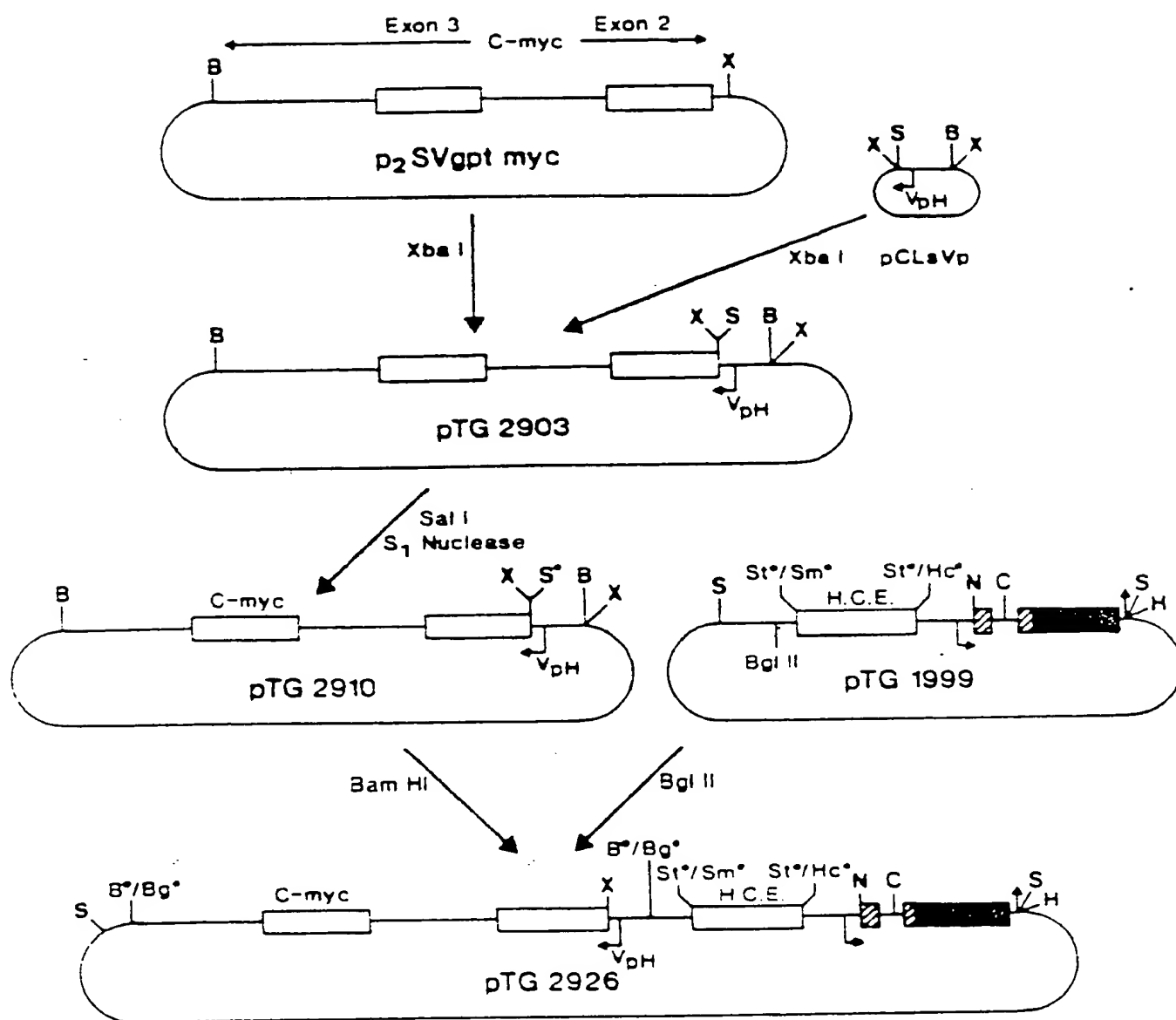


FIG-11



Office européen
des brevets

RAPPORT DE RECHERCHE EUROPEENNE

Numero de la demande

EP 88 40 1520

DOCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS			
Catégorie	Citation du document avec indication, en cas de besoin, des parties pertinentes	Revendication concernée	CLASSEMENT DE LA DEMANDE (Int. Cl.4)
Y	NATURE, vol. 315, 9 mai 1985, pages 115-122; D. HANAHAN: "Heritable formation of pancreatic beta-cell tumours in transgenic mice expressing recombinant insulin/simian virus 40 oncogenes" * En entier *	1-7, 9, 10, 17, 18, 24, 27-29	C 12 N 5/00 C 12 N 15/00 A 01 K 67/02 C 12 P 21/02 A 61 K 37/64 A 61 K 37/48
Y	FR-A-2 487 851 (KABUSHIKI KAISHA HAYASHIBARA SEIBUTSU K.K.) * En entier *	1-7, 9, 10, 17, 18, 24, 27-29	
A	EP-A-0 169 672 (PRESIDENT AND FELLOWS OF HARVARD COLLEGE) * En entier *	24, 27-29	
A	PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES, vol. 84, mars 1987, pages 1299-1303; A.-C. ANDRES et al.: "Ha-ras oncogene expression directed by a milk protein gene promoter: Tissue specificity, hormonal regulation, and tumor induction in transgenic mice" * En entier *	1-7, 9, 10, 17, 18, 22-26	DOMAINES TECHNIQUES RECHERCHES (Int. Cl.4) C 12 N
A, D	NATURE, vol. 318, 12 décembre 1985, pages 533-538; J.M. ADAMS et al.: "The c-myc oncogene driven by immunoglobulin enhancers induces lymphoid malignancy in transgenic mice" * En entier *	1-7, 9, 10, 17, 18, 22-27	
Le présent rapport a été établi pour toutes les revendications			
Lieu de la recherche LA HAYE		Date d'achèvement de la recherche 29-09-1988	Examineur CUPIDO M.
CATEGORIE DES DOCUMENTS CITES X : particulièrement pertinent à lui seul Y : particulièrement pertinent en combinaison avec un autre document de la même catégorie A : arrière-plan technologique O : divulgation non-écrite P : document intercalaire T : théorie du principe à la base de l'invention E : document de brevet antérieur, mais publié à la date de dépôt ou après cette date D : cité dans la demande L : cité pour d'autres raisons & : membre de la même famille, document correspondant			

EPO FORM 1503 (03.82) (PUB.2)



Office européen
des brevets

RAPPORT DE RECHERCHE EUROPEENNE

Page 2

Numero de la demande

EP 88 40 1520

DOCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS			
Catégorie	Citation du document avec indication, en cas de besoin, des parties pertinentes	Revendication concernée	CLASSEMENT DE LA DEMANDE (Int. Cl.4)
O,P	JOURNAL OF CELLULAR BIOCHEMISTRY, vol. 0, no. 12, suppl. 1988, no. H220, page 193; A. PAVIRANI et al.: "Oncogene-induced T cell tumours expressing a foreign protein in transgenic mice" * Résumé * -----	1-18, 20, 22-30	
			DOMAINES TECHNIQUES RECHERCHES (Int. Cl.4)
Le présent rapport a été établi pour toutes les revendications			
Lieu de la recherche LA HAYE		Date d'achèvement de la recherche 29-09-1988	Examineur CUPIDO M.
CATEGORIE DES DOCUMENTS CITES X : particulièrement pertinent à lui seul Y : particulièrement pertinent en combinaison avec un autre document de la même catégorie A : arrière-plan technologique O : divulgation non-écrite P : document intercalaire T : théorie ou principe à la base de l'invention E : document de brevet antérieur, mais publié à la date de dépôt ou après cette date D : cité dans la demande L : cité pour d'autres raisons & : membre de la même famille, document correspondant			